## X CitoEvol Workshop Encontro do Laboratório de Citogenética e Evolução Vegetal Em casa – 14 e 15 de Julho de 2021

Duração das apresentações:

Projetos: 20 min (+ 10 min discussão) Resultados: 10 min (+ 10 min discussão)

Dia	Horário	Apresentador	Título
14/07	15:30	Prof. Dr. Gustavo	Evolução da fração repetitiva do genoma no grupo Caesalpinia (Leguminosae): uma abordagem citogenética, filogenômica e biogeográfica
	16:00	Géssica	Os padrões de evolução cariotípica não se correlacionam com a filogenia em Caesalpinia (Leguminosae)
	16:30	Brena	Latindo para a árvore errada: traços ecológicos inferem na topologia baseada em repeats no grupo Caesalpinia (Leguminosae) de 56 milhões de anos
	17:00	Natália	Qual o grau de variação intragenérica da heterocromatina no grupo Caesalpinia?
15/07	9:00	Paulo	A hibridação contribui para a complexidade taxonômica de Cenostigma Tul.?
	9:30	Amália	Mecanismos de evolução cariotípica de Cuscuta L. e sua grande diversidade cromossômica.
	10:00	Bruna	Mapeamento citogenético comparativo dos cromossomos portadores de DNA ribossomal em Passiflora foetida L. e P. vesicaria L. (Passifloraceae)
	10:30	Thiago	Revisiting the chromosome evolution of Phaseolus L. beans (Fabaceae) through oligo-FISH
	11:00	Claudio	Citogenômica comparativa revela remodelação genômica e reposicionamento centromérico nas leguminosas da tribo Phaseoleae
	11:30	Erton	Coroa de frade e coroa do diabo. Um antagonismo morfológico com íntima relação genética
	13:00	Amanda	Sistemática e inovações importantes: lições macroevolucionárias da filogenia da aliança Ameroglossum (Linderniaceae)
	13:30	Yennifer	Os cromossomos monocêntricos de Juncus L. (Juncaceae) e seu impacto na diversidade cariotípica do gênero: abordagens genômica, citogenética e filogenética
	14:00	Yhanndra	Panorama dos repeats de Juncus effusus e sua organização centromérica
	14:30	Lucas	Alcance evolutivo do DNA satélite holocentromérico Tyba no gênero Rhynchospora Vahl
	15:00	Jéssica	Influencia dos elementos repetitivos nos grandes genomas de Alstroemeriaceae: Análise in silico de Bomarea edulis